

<b>Resultado Nr.:</b>	<b>2204-M-07927</b>
Fecha de entrada:	20.04.2022
Fecha de informe:	27.04.2022
Inicio de análisis:	20.04.2022
Fin de análisis:	

Especie:	Perro
Raza:	Rhodesian Ridgeback
Sexo:	Hembra
Nombre:	STACEY KHAMI MANDELA RIDGEBACK
Microchip:	941000023593855
Edad / Fecha de nacimiento:	24.01.2019
Material:	Sangre
Fecha:	13.04.2022
Propietario:	Juscafresa Cambó, Judit
Código paciente:	---

## **Mielopatía degenerativa - PCR**

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el bovero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

## **Hemofilia B (Factor IX) - PCR**

Resultado: Genotipo hembra X(N)/X(N), macho X(N)/Y

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen FIX responsable de hemofilia B.

Heredabilidad: ligada a cromosoma X-recesiva

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las razas: Rhodesian ridgeback.

## **Juvenile Myoclonic Epilepsy (JME)**

Resultado: genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No porta la mutación en el gen DIRAS1 responsable de JME.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Se ha descrito una correlación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Rhodesian ridgeback

## **D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR**

Resultado: Genotipo D/D

Interpretación: El animal examinado no es portador del alelo d1. Si no es portador de otras variantes del locus d, el animal es homocigoto para el alelo D.

El test detecta los alelos D y d1 Serie alélica: D es dominante sobre d1

Anotación: Existen otras variantes del locus d que deben ser evaluadas para establecer por completo las características de la dilución.

Tenga en cuenta:

En las siguientes razas se ha detectado otra mutación responsable de la dilución del color de pelo: Chow Chow, Sloughi y Tailandia Ridgeback. No se excluye que esta mutación en otras razas sea común.

## **B-Lokus (braun, chocolate, liver(nose))**

El análisis genético del B - locus detecta las cuatro variantes recesivas: bd, bc, bs y b4 que han sido descritas como responsables del color de capa marrón en el perro. El alelo B es dominante frente a los demás.

### **Variant bd**

Resultado para bd: Genotipo B/B Interpretación: No se ha encontrado el alelo bd en esta muestra.

### **Variant bc**

Resultado para bc: Genotipo B/B Interpretación: No se ha encontrado el alelo bc en esta muestra

### **Variant bs**

Resultado para bs: Genotipo B/B Interpretación: No se ha encontrado el alelo bs en esta muestra

Variantes del alelo B: el alelo B es dominante sobre los alelos bd, bc, bs y b4

Si el animal es homocigoto para alguna de las variantes responsables de la mutación, el pigmento negro (eumelanina) se diluye y el animal muestra la capa marrón en aquellas zonas donde la capa debería ser oscura o negra en origen.

Si el animal es heterocigoto para alguna de las variantes responsables de la mutación, no es posible determinar en qué grado influirá sobre la eumelanina. La capa oscura o negra en origen podría ser de color negra o marrón.

Se estima que existen más variantes genéticas responsables del color de capa marrón en el bulldog francés, Yorkshire terrier y otras razas pequeñas similares. Estas variantes todavía no pueden ser testadas.

### **Hemofilia A (deficiencia del factor VIII) - PCR**

Resultado: Genotipo femenino X(N)/X(N), masculino X(N)/Y

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación responsable de hemofilia A en el gen FVIII.

Heredabilidad: cromosoma X - recesiva

Estudios científicos han encontrado correlación entre la mutación y los signos clínicos de la enfermedad en las siguientes razas:  
Rhodesian Ridgeback

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

### **A tener en cuenta:**

Los certificados no están incluidos al pedirse paquetes genéticos. Estos deben pedirse por separado para cada prueba individual. Si quiere certificado de alguna prueba contenida en el paquete háganoslo saber. Gracias.

No se prepararán certificados hasta nuevo aviso.

Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.

Luisa Murcia Giro - Veterinaria

\*\*\* FIN del informe \*\*\*



Laboklin App